

Encadrement :

Nom : Wattier	Prénom : Rémi	Qualité : Mcf	Tel : 03 80 39 62 41
Nom : Rigaud	Prénom : Thierry	Qualité : DR CNRS	Tel : 03 80 39 39 45
Laboratoire /Entreprise : UMR Biogéosciences UB-CNRS 5561 Adresse : 6bd Gabriel 21000 Dijon			
Courriel : Remi.wattier@u-bourgogne.fr et Thierry.Rigaud@u-bourgogne.fr			

Titre du stage :

Diversité cryptique du groupe *Gammarus pulex* à l'échelle de son aire de distribution : confrontation des données morphologiques et moléculaires

Mots clés :

Biogéographie, DNA barecoding, diversité cryptique *Gammarus pulex*, *G. fossarum*, , MOTUs, spéciation,

Résumé (150 mots maximum) :

Le groupe *Gammarus pulex* est un groupe d'espèces de gammares d'eaux douces comportant une dizaine d'espèces décrites sur des critères morpho-anatomiques. Au sein de ce groupe deux espèces cosmopolites en Europe ont été historiquement décrites sur des critères anatomiques, mais aussi moléculaires (1, 2). Toutefois, le niveau de divergence moléculaire observée lors d'une étude récente pour de nombreux sites Bourguignons pourrait justifier de considérer un nombre bien plus élevé d'espèces au sein de chacune de ces espèces morphologiques (3).

L'objectif du stage sera de confronter une délimitation morphologique et phylogénétique de l'espèce (lignées haplotypiques de l'ADN mitochondrial, COI) à l'échelle de son aire de distribution.

Deux références bibliographiques:

- (1) Meyran et al. 1997. Mol. Phylogen. Evol. 8: 1-10.
- (2) Muller 2000. Mol. Phylogen. Evol. 15 260-8.
- (3) Rullmann 2010 Mémoire de M2R-BOP-DIJON.

Techniques mises en œuvre:

Détermination du statut taxonomique par mesures morphométriques. Extraction d'ADN, PCR, édition de séquence, alignement, DNA barecoding et phylogénie.

Compétences particulières exigées:

Goût pour l'écologie moléculaire.

